

تقدير المكافىء الوراثي لبعض الصفات الانتاجية لدجاج الكهورن بأسعمال TYPE1 ، MIVQUE ، ML ، REML

Estimation of heritability for some productive traits in Leghorn hens by using REML , ML ,
MIVQUE and TYPE1

ثامر كريم الجنابي فراس رشاد السامرائي احمد محمود النداوي
كلية العلوم – جامعة كربلاء كلية الطب البيطري – جامعة بغداد كلية الزراعة – جامعة بغداد

المستخلص:

شمل البحث 336 دجاجة لkehورن بنات الى 24 ديك ، تم تربيتها في حقل الطيور الداجنة التابع لقسم الثروة الحيوانية في كلية الزراعة - جامعة بغداد / ابو غريب للمرة من 1/1/2005 ولغاية 9/30/2005 ، بهدف اجراء مقارنة بين العمر والوزن عند النضج الجنسي كعامل تعديل لعدد من الصفات (وزن البيضة ، عدد البيض وكتلة البيض) وتأثير كل منها على تقديرات المكافىء الوراثي للصفات المدروسة بأسعمال اربع طرائق استعملت طريقة الانموذج الخطى العام (General Linear Model) ضمن البرنامج الاحصائى الجاهز SAS 2001 للمقارنة بين تأثير العمر والوزن عند النضج الجنسي عند التعديل لكل منهما . نفذت اربع طرائق REML ، MIVQUE ، ML ، TYPE1 لتقدير مكونات التباين العشوائية (Random effects) بافتراض الانموذج الرياضي المختلط (Mixed model) عند تقدير المكافىء الوراثي للصفات المذكورة افنا . تبين بأن تقدير المكافىء الوراثي عند التعديل على اساس العمر عند النضج بأعتماد طريقة REML ، MIVQUE ، ML ، TYPE1 لوزن البيضة بلغ 0.34 ، 0.32 ، 0.26 ، 0.32 ، 0.26 ، 0.32 ولعدد البيض المنتج 0.69 ، 0.66 ، 0.66 ، 0.63 ، 0.51 ، 0.42 ، 0.42 ، 0.42 ، 0.42 ، فيما بلغت التقديرات المناظرة لها عند التعديل على اساس الوزن عند النضج الجنسي بالنسبة لوزن البيضة 0.31 ، 0.29 ، 0.25 ، 0.30 ، 0.25 ، 0.29 ، 0.68 ، 0.65 ، 0.65 ، 0.50 ، 0.50 ، 0.62 ، 0.62 ، 0.47 ، 0.47 ، 0.45 ، 0.45 ، 0.45 بالتعاقب .

Abstract:

The study was conducted at the poultry farm of Animal Resources Department, College of Agriculture, Baghdad University, Abu-Gharib over period from Janu.2005 to Sep.2005 on White Leghorn (24 sire , 131 dam ,336 progeny). The aim of the research is to make a comparison between age and weight at sexual maturity as adjustment factors on some traits (egg weight, egg number and egg mass) and the effect of each of them on estimation of heritability by using fourth methods .General Linear Model (GLM) within the SAS program 2001 was used. Component of variance for the random effects in the employed mixed model were estimated by fourth methods REML , ML , MIVQUE , TYPE1 . Heritability estimated for egg weight after adjusting for age at sexual maturity using REML,ML,MIVQUE and TYPE1 were 0.34 , 0.32 . 0.26 .0.32 and for egg number 0.69 , 0.66 , 0.51 , 0.63 and for egg mass 0.44 , 0.42 , 0.34 , 0.42 . , whereas the corresponding estimates of heritability of the same traits after adjusting for weight at sexual maturity were 0.31 , 0.29 , 0.25 , 0.30 and 0.68 , 0.65 , 0.65 , 0.50 , 0.62 and 0.47 , 0.45 , 0.37 , 0.45 respectively .

المقدمة :

يمثل تقدير القيمة التربوية (Breeding value) حجر الزاوية في ستراتيجيات التحسين الوراثي ، وتتحدد دقة (Accuracy) تقديرات القيمة التربوية بعاملين اساسيين هما المكافىء الوراثي وعدد البيانات (1) ، واذا كان زيادة عدد السجلات امرا ميسورا في دراسات الدواجن ، فإن ذلك لا يقلل من اهمية البحث والتحري عن افضل الطرائق لتقدير مكونات التباين بغية زيادة تقدير المكافىء الوراثي بما ينعكس ايجابا على زيادة دقة القيمة التربوية ، اذ ان المكافىء الوراثي يمثل مقياسا لقوه العلاقة بين القيمة التربوية والقيمة المظهرية ، وارتفاع تقديره يزيد من دقة كون مظهر الصفة يعد مؤشرا مناسبا عن وراثتها ، وذلك سيلقى بظلاله على زيادة دقة القيمة التربوية المقدرة (2) ، وفي هذا الصدد اوضح Bourdon (1) بأننا نحتاج الى 10 سجلات عن النسل للحصول على دقة قدرها 0.82 للقيمة التربوية للأب لصفة ما ذات مكافىء وراثي يبلغ 0.70 ، فيما نحتاج الى 26 سجل عن النسل للحصول على نفس دقة القيمة التربوية للأب عندما يكون تقدير المكافىء الوراثي 0.30 ، لذا سناحول في هذا البحث اعتماد اربع طرائق لتقدير مكونات التباين REML (Restricted Maximum Likelihood) (3) ، ML (3) ، MIVQUE (4) و TYPE1 (5) (Minimum Variance Quadratic Unbiase Estimation) MIVQUE (4) Likelihood

(6) بعد اجراء مقارنة بين الطرائق وبين أفضلية التعديل للعمر ام للوزن عند النضج الجنسي (Henderson's Method 1) على تقديرات المكافئ الوراثي .

المواد وطرق العمل :

اجريت هذه الدراسة في حقل الطيور الداجنة التابع لقسم الثروة الحيوانية في كلية الزراعة - جامعة بغداد / ابو غريب ، لمدة من 15/1/2005 ولغاية 30/9/2005 ، واستعمل فيها 24 ديك و 144 دجاجة لکهورن ابيض وبعمر 20 أسبوعا ، وقد تم تقسيم القطيع عشوائيا الى 24 عائلة وبواسطة ديك واحد لكل ستة دجاجات ، ووضعت افراد هذا القطيع في اقفاص فردية بمسافة $40 \times 50 \times 50$ سم وغذيت على علبة انتاجية بصورة حرارة 17% بروتين و 2750 كيلوغرام / كغم علف ، استعمل التلقيح الاصطناعي في تفقيح الاناث وجرى جمع البيض الملقح والمنسوب حسب العوامل ووضع في مخزن بدرجة حرارة 11°C ولمدة 14 يوما لغرض انتاج النسل (336 دجاجة) ، اذ اجريت ثلاثة فقسات (1 / 1 ، 1 / 8 ، 1 / 15 / 2005) وتم تسجيل البيانات الخاصة بالنساء والتي تتضمن عمر والوزن عند النضج الجنسي فضلا عن وزن وكثافة عدد البيض المنتج خلال 100 يوما الاولى من الانتاج . اجري التحليل الاحصائي باستعمال طريقة GLM ضمن البرنامج الجاهز SAS 2001 (7) لدراسة تأثير العوامل الثابتة (Fixed effects) (العمر او الوزن عند النضج الجنسي) في وزن البيضة ، عدد البيض المنتج خلال مدة 100 يوما وكثافة البيض ، وفق الانموذج الرياضي الآتي :

$$Y_{ijk} = \mu + A_i + H_j + e_{ijk}$$

اذ ان :

Y_{ijk} = قيمة المشاهدة z وتمثل وزن البيضة او عدد البيض المنتج او كثافة التي تعود الى العمر او الوزن عند النضج الجنسي i والفصيلة j .

μ = المتوسط العام .

A_i = تأثير العمر عند النضج الجنسي ($i = 1 - 3$) ، اذ ان $150 - 151 = 2$ ، $155 - 151 = 3$ ، $156 - 151 = 5$ يوما فأكثر . او تأثير الوزن عند النضج الجنسي ($i = 1 - 3$) ، اذ ان $1150 - 1151 = 1$ غم فأقل ، $1250 - 1151 = 2$ ، $1251 - 1151 = 3$ غم فأكثر . H_j = تأثير الفصيلة j ($j = 1 - 3$) .

e_{ijk} = الخطأ العشوائي ويفترض ان يكون موزعا توزيعا طبيعيا ومستقلا بمتوسط يساوي صفراء وتباين قدره δ^2 .

استعملت طريقة REML (Restricted Maximum Likelihood) (3) (ML) ، TYPE1 (Minimum Variance Quadratic Unbiased Estimation) (4) ، Likelihood (5) و MIVQUE (6) لتقدير مكونات التباين للتغيرات العشوائية (Random effects) بين الاخوة انصاف الاشقاء (Half sibs) بعد ازاله تأثير العوامل الثابتة (Fixed effect) وبافتراض الانموذج المختلط (Mixed model) لتقدير المكافئ الوراثي للصفات المدروسة ، اذ تم التقدير بعد التعديل للعمر عند النضج الجنسي ، ثم اعيد التقدير بعد استبدال العمر بالوزن عند النضج الجنسي ، وفق الانموذج الرياضي الآتي :

$$Y_{ijk} = \mu + A_i + H_j + S_k + e_{ijkl}$$

اذ ان الرموز نفسها في الانموذج الاول باستثناء S_k والذي يمثل تأثير الاب (عدد الآباء 24).

لفرض المقارنة بين افضلية الطرائق ، فقد تم تقدير دقة القيمة التربوية لكتلة البيض المعدلة على اساس الوزن عند النضج الجنسي بعد تثبيت عدد البنات وتغيير تقدير المكافئ الوراثي حسب طريقة التقدير (REML ، MIVQUE ، ML) (TYPE1) .

باعتراض المعادلة الآتية (1) :

$$Acc = \sqrt{n h^2 / 4 + (n - 1) h^2}$$

اذ ان :

Acc = الدقة ، n = عدد البنات للأب ، h^2 = المكافئ الوراثي للصفة

النتائج والمناقشة :

يتبيّن من جدول 1 تقديرات المكافئ الوراثي لوزن البيضة بعد التعديل لتأثير العمر عند النضج الجنسي ، عند استعمال طريقة TYPE1 ، MIVQUE ، ML ، REML الجنسى بلغت 0.34 ، 0.32 ، 0.26 ، 0.32 ، 0.34 ، 0.26 ، 0.32 بالتعاقب ، وعند التعديل للوزن عند النضج الجنسي بلغت 0.31

جدول 1 تقديرات المكافئ الوراثي لوزن البيضة وعدد البيض المنتج وكثافة البيض بأعتماد اربع طرائق (TYPE1 , MIVQUE , ML , REML)

h^2	$\sigma^2 e$	$\sigma^2 s$	طريقة التقدير	الصفة
0.34	10.66	0.98	REML	وزن البيضة معد لل عمر عند النضج الجنسي
0.32	10.59	0.91	ML	
0.26	10.82	0.74	MIVQUE	
0.32	10.64	0.92	TYPE1	
0.31	10.05	0.83	REML	وزن البيضة معد للوزن عند النضج الجنسي
0.29	9.99	0.77	ML	
0.25	10.16	0.67	MIVQUE	
0.30	10.04	0.80	TYPE1	
0.69	123.71	25.94	REML	عدد البيض المنتج بعد التعديل لل عمر عند النضج الجنسي
0.66	122.90	24.49	ML	
0.51	127.93	18.58	MIVQUE	
0.63	123.48	23.24	TYPE1	
0.68	124.06	25.28	REML	عدد البيض المنتج بعد التعديل لل وزن عند النضج الجنسي
0.65	123.25	23.84	ML	
0.50	128.15	18.22	MIVQUE	
0.62	123.83	22.71	TYPE1	
0.44	468150.93	58125.84	REML	كثافة البيض بعد التعديل لل عمر عند النضج الجنسي
0.42	465102.41	54378.49	ML	
0.34	477109.95	43867.36	MIVQUE	
0.42	521436.59	54373.57	TYPE1	
0.47	457381.20	61267.50	REML	كثافة البيض بعد التعديل لل وزن عند النضج الجنسي
0.45	454398.19	57411.23	ML	
0.37	465933.07	47818.05	MIVQUE	
0.45	456627.51	57571.75	TYPE1	

، اما تقديرات المكافئ الوراثي لعدد البيض بعد التعديل لتأثير العمر عند النضج الجنسي فقد بلغت 0.69 ، 0.29 ، 0.30 ، 0.25 ، 0.29 ، 0.63 ، 0.51 ، 0.66 ، 0.63 وعند التعديل للوزن عند النضج الجنسي بلغت 0.68 ، 0.50 ، 0.65 ، 0.65 ، 0.62 ، فيما بلغت تقديرات المكافئ لكتلة البيض بعد التعديل لل عمر عند النضج الجنسي 0.44 ، 0.34 ، 0.42 ، 0.42 ، 0.37 ، 0.45 ، وبصورة عامة فإن تقديرات طريقة REML كانت أعلى من بقية الطرائق، ثم تلتها طریقتا ML و TYPE1 اذا كانت تقديراتها متقاربة، فيما كانت ادنى التقديرات باستعمال طريقة MIVQUE ، وتأتي هذه النتائج

موافقة لما توصل اليه Unver (8) ، اذا وجد ان المكافئ الوراثي لعدد البيض المنتج بلغ 0.49 ، 0.48 ، 0.47 باستعمال MIVQUE ، ML ، REML ، Akbas (9) اذا بلغت تقديراته لعدد البيض والمناظرة للطرائق الثلاثة 0.31 ، 0.30 ، 0.29 .

ان الطريقة المستعملة في تقدير مكونات التباين والتي تعطي تقديراً أعلى للمكافئ الوراثي يعني انها ستعطي دقة اكبر للقيمة التربوية المقدرة ، ويتبين من جدول 2 تقديرات دقة القيمة التربوية بالنسبة لكتلة البيض المعدلة على اساس الوزن عند النضج الجنسي لأحد الآباء الذين لديهم عدد بنات 5 ، 10 ، 20 ، 50 ، 100 اعتماداً على تقديرات المكافئ الوراثي المتحصل عليها من هذه الدراسة وذلك بتطبيق المعادلة المذكورة آفأ .

يتضح ان دقة تقدير القيمة التربوية بلغت اقصاها باعتماد طريقة REML وادناها باعتماد طريقة MIVQUE ، فيما كانت تقديرات الدقة متقاربة باستعمال طريقي ML و TYPE1 ، ويلاحظ بأن تقديرات القيم التربوية تزداد بزيادة عدد البنات للأب الواحد حتى تتساوى تقريريا على الرغم من تباين تقديرات المكافئ الوراثي تبعاً لاختلاف طرائق التقدير .

ان الاختلافات بين الطرائق في تقديرات مكونات التباين تعود الى ان لكل طريقة خصائص عامة يستلزم توفرها عند اجراء التحليل الاحصائي ، ومن هذه الخصائص ان تكون الصفة المراد تحليلها ذات توزيع طبيعي ، الا ان Jairath (10) يرى بأن اعتماد طريقة REML يمكن ان يكون اختياراً مناسباً حتى لو كانت البيانات ذات توزيع غير طبيعي . كما اكد Graser (11) بأن طريقة REML تتتفوق عن الطرائق الأخرى ، اذ يمكنها ان تعطي تقديرات اكثراً دقة للمكافئ الوراثي لكونها لا تتأثر بالتحبيب الناجم عن صغر حجم العينة وكذلك التحيبز بسبب الانتخاب اعتماداً على نتائج الدراسة يمكن التوصل الى أن طريقة REML اعطت تقديرات أعلى للمكافئ الوراثي لصفتي وزن البيضة وعدد البيض المنتج ، وبلغت اقصاها عند التعديل للعمر عند النضج الجنسي ، فيما بلغت أعلى التقديرات لكتلة البيض عند التعديل على أساس الوزن عند النضج الجنسي ، وكذلك وجده ان طريقة MIVQUE اعطت ادنى تباين للأب واعلى تباين للخطأ وهي نفس النتيجة التي آلت اليها دراسة Akbas (9) ونتيجة لذلك جاءت تقديراتها ادنى من تقديرات طرائق الأخرى باستثناء كتلة البيض عند التعديل للعمر عند النضج الجنسي .

طريقة التقدير	h^2	5 بنات	10 بنات	20 بنت	50 بنت	100 بنت
REML	0.47	0.63	0.75	0.85	0.93	0.96
ML	0.45	0.62	0.74	0.84	0.92	0.96
MIVQUE	0.37	0.58	0.71	0.81	0.91	0.95
TYPE1	0.45	0.62	0.74	0.84	0.92	0.96

جدول 2 تقديرات دقة القيمة التربوية المقدرة للأب اعتماداً على اداء عدد مختلف من النسل لنفس الأب

المصادر:

- 1- Bourdon , R.M. 1997. Understanding Animal Breeding . Prentice Hall , Upper Saddle River , NJ. 07458.
- 2-Cassell, B . G. 2001 . Using heritability for genetic improvement. <http://www.Ext.vt.edu/pubs/dairy> .
- 3-Patterson ,H.D. and R.Thompson.1971.Recovery of interblock information when block size are unequal.Biometrika.,58.:545 – 554.
- 4-Hartley , H.O. and J.N.K.Rao.1967.Biometrika.,54: 93 – 98 . (Cited by Unver et al ,2002) .
- 5- Rao , C.R. 1971. Minimum variance quadratic unbiased estimation of variance component .J. Multivariate Analysis.,1 :445-456.
- 6-Henderson C.R.1953. Estimation of variance and covariance components.Biometrics.,9:226.
- 7- SAS. 2001 . SAS / STAT Users Guide for Personal Computer . Release 6.18. SAS Institute , Inc., Cary , N.C., USA.
- 8-Unver , Y.,Y.Akbas , M.Z.Firat and I.Ogus.2002.Estimatin of heritability for egg production in laying hens using MIVQUE, ML , REML and Gibbs Sampling methods.7th World Congress on Genetics Applied to Livestock Production.August, 19 – 23 , Montpellier , France.
- 9-Akbas,Y.,Y.Unver,I.Oguz and O.Altan.2002.Comparison of different variance component estimation methods for genetic parameters of clutch pattern in laying hens.European Poult.Sci.66:232- 236.
- 10-Jairath , L.K., Hayes , J. F. and Cue , R.I. 1994. Multitrait restricted maximum likelihood estimates of genetic traits for Canadian Holsteins. J. Dairy Sci., 77 : 303-312.
- 11-Graser ,H.U., S.P. Smith and B.Tier.1987.A Derivative-Free approach for estimating variance components in animal models by Restricted Maximum Likelihood.J .Anim.Sci.,64:1362-1370.